対象研究テーマ: in vitro がん幹細胞モデル系の開発に関する研究

研 究 期 間: 2012 年 4 月 1 日~2013 年 3 月 31 日 研 究 題 目: がん幹細胞と非がん幹細胞間の細胞競合

研 究 代 表 者:北海道大学遺伝子病制御研究所 教授 藤田恭之

研究成果の概要:

がん幹細胞・非がん幹細胞の関係を細胞競合の観点から考察するため、遺伝学的背景のできるだけ似通ったがん幹細胞・非がん幹細胞モデルの樹立を試みた。本年度は特に、Rb 遺伝子のステータスの異なるがん細胞株群を樹立し、未分化性、浸潤・転移能、代謝等の面から、がん幹細胞を特徴付けると予想された表現型に差違が観察されるかを検討した。細胞競合の測定のためには、一定期間がん幹細胞様の表現型が維持される必要がある。本年度は、2 週間程度がん幹細胞様の表現型を安定的に示す細胞集団を濃縮・維持することに成功し、細胞競合測定の準備が整った。

研究分野:腫瘍生物学

キーワード: がん幹細胞、細胞競合

1. 研究開始当初の背景

1980年頃に最初の癌遺伝子 Src が発見され て以来、数多くの癌遺伝子あるいは癌抑制遺 伝子が同定されてきた。そして、それらの変 異がどのように細胞のシグナル伝達や性状 に影響を与えるかについて多くのことが明 らかにされてきた。しかし、ヒトの正常細胞 層に癌が生じた際に、癌細胞と直接それを取 り囲む正常細胞の間で何が起こるかについ ては明らかでなく、癌研究のブラックボック スとなっている。ショウジョウバエにおいて は、正常上皮細胞と変異細胞が共存した時に、 両者の境界でさまざまな現象が起こること が複数報告されている。特に、正常細胞と変 異細胞が生存を争う細胞競合と呼ばれる現 象は現在非常にホットなトピックとなって いる。しかし、脊椎動物でも同様の現象が起 こるかについては明らかでなかった。我々は、 テトラサイクリン依存性に癌タンパク質 (Ras、Src など) の発現あるいは癌抑制タン パク質 (Scribble など) の shRNA の発現を誘 導できる上皮培養細胞系を確立し、 哺乳類 でも正常上皮細胞と変異細胞間で様々な現 象が起こることを世界で初めて明らかにし てきた (Hogan et al., 2009, Nature Cell Biology; Tamori et al., 2010, PLoS Biology など)。また最近の研究で、変異細胞と正常 細胞間の細胞競合関係を制御するシグナル 伝達経路が少しずつ明らかになってきた。

2. 研究の目的

がん幹細胞仮説は、腫瘍が一様な細胞の 集まりではなく、クローン(腫瘍原性)維 持を担保し、組織幹細胞様の役割を担うが ん幹細胞と、この細胞から恐らくは非対称 性分裂を経て産み出され、腫瘍の大半を形 成する、分化した非がん幹細胞に分かれる と主張する。この仮説は、がんの再発や転 移あるいは薬剤耐性を説明する上で大変役 立つ。がん幹細胞は、専ら、細胞周期静止 を誘導あるいは分化を阻害するニッチを提 供する周辺正常細胞との関係において研究 されている。しかし、腫瘍の大半を占める とされる非がん幹細胞とがん幹細胞の間に も生物学的に重要な相互関係が存在する可 能性がある。この観点からなされた研究は 申請者の知るところ皆無である。我々は、 主として細胞競合という視点から、腫瘍内 不均一性の意義の解明に挑戦することを目 指す。

3. 研究の方法

高橋らは、Rb-p53 欠損マウス由来の細胞から、そのがん幹細胞様の挙動が、p53 ーアレルの変化に依存して、劇的に変化する細胞系を樹立している。p53 アレル数の異なる2群の細胞を様々な条件で混合し、細胞競合を観察することができる。2群の細胞間で、顕著な細胞競合関係が観察されるならば、我々が従来見出してきた細胞競合

シグナルを測定してみる。この実験系においては、2群の細胞間において観察される様々な相互関係を p53 アレルへの依存性という点において整理することができるのと観察された現象の分子メカニズムに切り込むことが容易である。また、不均一な腫様知胞集団におけるがん幹細胞様細胞群のイナミックな挙動を解析することによって、がん転移の新しい機序の解明に繋がる可能性も秘める。

4. 研究成果

平成 24 年度の髙橋らとの共同研究におい て、いくつかの p53 欠損マウスに独立に発生 した soft tissue sarcoma を基盤に、Rbのみ の追加的不活性化によって、がん幹細胞らし い様々な表現型を誘導することの出来る系 を作製した。がん幹細胞らしい表現型とは、 分化マーカーの消失、EGF-bFGF 培地におけ る自己複製能亢進、血清含有培地における BrdU 取り込み低下、浸潤・転移能亢進、解 糖・脂肪酸合成経路等の変化、ペントースリ ン酸経路の抑制等であった。これらの表現型 は Rb の再構成によって顕著に抑制される。 また、Rb の再構成は、このような細胞の正 常培地における増殖にはほとんど影響を与 えなかった。また、細胞競合の測定のために は、一定期間がん幹細胞様の表現型が維持さ れる必要がある。本年度は、2週間程度がん 幹細胞様の表現型を安定的に示す細胞集団 を濃縮・維持することに成功した。この系を 利用し、Rb の活性と幹細胞様の挙動が異な る2群の細胞に異なるラベルを施し細胞競合 測定する準備に入っている。さらに、髙橋ら は、乳腺上皮初期培養と mammosphere を利 用し、上記と似通った実験系を上皮細胞にお いても確立しつつある。細胞競合は、正常・ 変異上皮細胞をもともとの観察対象として きたため、好適である。来年度も共同研究を 継続する予定であるので、この系の完成を待 って、細胞競合を測定する。

5. 主な発表論文等

(研究代表者、研究分担者及び連携研究者には下線)

[雑誌論文](計0件)

[学会発表](計0件)

〔図書〕(計0件)

[産業財産権]

- ○出願状況(計0件)
- ○取得状況(計0件)

〔その他〕 なし

6. 研究組織

(1)研究代表者

北海道大学遺伝子病制御研究所·教授 藤田恭之

(2)研究分担者

北海道大学遺伝子病制御研究所 · 助教 梶田美穂子

北海道大学遺伝子病制御研究所 · 助教 加藤洋人

北海道大学遺伝子病制御研究所・博士研究員 山内 肇

北海道大学遺伝子病制御研究所 •

修士2年 大岡敦子

(3)本研究所担当者

腫瘍分子生物学・教授 高橋智聡